|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| **孙蒙飞周计划** | | | | |
|
| **工作说明** | | **分值** | **完成状态** | **待解决问题** |
| 主要工作 | 1、报告自动化评审 | 20 | 1 |  |
| 2、健管报告模型抽取 | 20 | 1 |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
| 突发工作 |  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
| **总分** | **40** | | | |
| 总结 |  | | | |
| **孙蒙飞周计划** | | | | |
|
| **工作说明** | | **分值** | **完成状态** | **待解决问题** |
| 主要工作 | 1、美因生命APP接口的开发 | 20 | 1 |  |
| 2、参与建设自动化团队 | 40 | 1 |  |
| 3、设计SNP对象模型 | 20 | 0.5 |  |
| 4、设计全外自动化报告文档说明 | 20 | 0.2 |  |
|  |  |  |  |
| 突发工作 |  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
| **总分** | **74** | | | |
| 总结 | 小组成形，按部就班。 | | | |

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| **孙蒙飞周计划** | | | | |
|
| **工作说明** | | **分值** | **完成状态** | **待解决问题** |
| 主要工作 | 1、参加评审会议，对接需求 | 10 | 1 |  |
| 2、编写条形码工具 | 10 | 1 |  |
| 3、抽取SNP模型，设计snp数据库 | 20 | 1 |  |
| 4、设计单基因数据库，构思关系模型 | 20 | 1 |  |
| 5、编写SNP单项详情接口。 | 40 | 0.5 |  |
| 突发工作 |  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
| **总分** | **80** | | | |
| 总结 |  | | | |

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| **孙蒙飞周计划** | | | | |
|
| **工作说明** | | **分值** | **完成状态** | **待解决问题** |
| 主要工作 | 1、单基因遗传病的需求对接和模型抽取 | 20 | 1 |  |
| 2、创建单基因数据库，封装对象，接口定义 | 20 | 1 |  |
| 3、snp套餐详情接口修改。 | 20 | 0.5 |  |
| 4、查询候选基因列表接口编写 | 10 | 1 |  |
| 5、修改对接snp界面 | 30 | 0.5 |  |
| 突发工作 |  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
| **总分** | **75** | | | |
| 总结 |  | | | |
| **孙蒙飞周计划** | | | | |
|
| **工作说明** | | **分值** | **完成状态** | **待解决问题** |
| 主要工作 | 1、前台数据对接，完善页面数据 | 30 | 1 |  |
| 2、评审系统，记录会议内容，修改需求对接 | 20 | 1 |  |
| 3、snp数据测试。 | 20 | 1 |  |
| 4、修改数据，调试页面 | 30 | 0.5 |  |
|  |  |  |  |
| 突发工作 |  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
| **总分** | **85** | | | |
| 总结 |  | | | |
| **孙蒙飞周计划** | | | | |
|
| **工作说明** | | **分值** | **完成状态** | **待解决问题** |
| 主要工作 | 1、修改全外报告自动化 | 20 | 1 |  |
| 2、评审系统，整理评审提出的要求 | 20 | 1 |  |
| 3、解析扬扬提供的文献数据 | 20 | 1 |  |
| 4、提供健管报告高风险接口 | 20 | 0.5 |  |
| 5、对接新需求整理方案。 | 20 | 1 |  |
| 突发工作 |  |  |  |  |
|  |  |  |  |
|  |  |  |  |
| **总分** | **90** | | | |
| 总结 |  | | | |